

# TP3correction

February 9, 2021

## 1 TP3 - Méthodes directes de résolution de $Ax = b$ et méthodes itératives - Correction

```
[1]: import numpy as np
      from math import *
      import matplotlib.pyplot as plt
      from matplotlib import cm
```

## 2 Exercice 1 - Résolution de systèmes triangulaires

Définition de la méthode de descente

```
[2]: def Lower(L,y):
      n = len(y)
      x = np.zeros(n)
      for i in range (n):
          x[i] = (y[i]-np.vdot(L[i,0:i],x[0:i])) / L[i,i]
      return x
```

On la teste sur un exemple :

```
[3]: n=4
      L=np.zeros((n,n))
      for i in range (n):
          for j in range (i+1):
              L[i,j]=1+i+j
      print('L=')
      print(L)
      y=np.random.rand(n)
      print('y=',y)
      print('Solution de Lx=y :')
      x=Lower(L,y)
      print(x)
      print('erreur=',np.linalg.norm(L.dot(x)-y))
```

```
L=
[[1. 0. 0. 0.]
 [2. 3. 0. 0.]
```

```

[3. 4. 5. 0.]
[4. 5. 6. 7.]]
y= [0.51498932 0.12668419 0.62285509 0.59188483]
Solution de Lx=y :
[ 0.51498932 -0.30109815  0.05645595 -0.04304534]
erreur= 2.220446049250313e-16

```

### 2.0.1 Définition de la méthode de remontée

```

[4]: def Upper(U,y):
      n = len(y)
      x = np.zeros(n)
      for i in range (n):
          x[n-1-i] = (y[n-1-i]-np.vdot(U[n-1-i,n-i:n],x[n-i:n])) / U[n-1-i,n-1-i]
      return x

```

## 3 Exercice 2 - Algorithme de décomposition LU

### 3.0.1 Définition de l'algorithme de décomposition LU

```

[5]: def LU(A):
      n = len(A)
      for k in range (n-1):
          A[k+1:n,k] = A[k+1:n,k] / A[k,k] #on divise par le pivot sur la colonne
          ↪k à partir de l'indice i
          A[k+1:n,k+1:n] = A[k+1:n,k+1:n] - (np.transpose([A[k+1:n,k]]))
          ↪dot([A[k,k+1:n]]) #on traite la matrice extraite entre les indices k+1 et n-1
      return A

```

Attention ! Quand on définit un np.array avec des valeurs entières, python ne fait des opérations que dans les entiers. Ainsi pour la matrice  $A = \begin{pmatrix} 14 & 4 \\ 5 & 7 \end{pmatrix}$ , l'algorithme renverra la matrice  $\begin{pmatrix} 14 & 4 \\ 0 & 7 \end{pmatrix}$ , alors que la vraie décomposition compacte LU est  $\begin{pmatrix} 14 & 4 \\ \frac{5}{14} & \frac{39}{7} \end{pmatrix}$ . Pour palier ce problème d'opérations faites dans le monde des entiers, il faut, en définissant la matrice A : - soit mettre des flottants :  $A = \text{np.array}([[14.,4.],[5.,7.]])$  - soit dire qu'on manipule des flottants :  $A = \text{np.array}([[14,4],[5,7]], \text{dtype} = \text{'float64'})$

### 3.0.2 Définition de la matrice de Pascal

```

[6]: def Pascal(n):
      P = np.ones((n,n))
      for i in range (1,n):
          for j in range (1,n):
              P[i,j] = P[i-1,j] + P[i,j-1]
      return P

```

## Test pour n = 5

```
[7]: n = 5
print('matrice de Pascal : ')
A=Pascal(n)
print(A)
LU(A)
print('LU :')
print(A)

U = np.zeros((n,n))
for i in range (0,n):
    U[i,i:n]=A[i,i:n]

L= A - U + np.diag(np.ones(n))

print('Décomposition LU de P :')
print('L=')
print(L)
print('U=')
print(U)
print('||P-LU||=',np.linalg.norm(Pascal(n)-L.dot(U)))
```

```
matrice de Pascal :
[[ 1.  1.  1.  1.  1.]
 [ 1.  2.  3.  4.  5.]
 [ 1.  3.  6. 10. 15.]
 [ 1.  4. 10. 20. 35.]
 [ 1.  5. 15. 35. 70.]]
LU :
[[1. 1. 1. 1. 1.]
 [1. 1. 2. 3. 4.]
 [1. 2. 1. 3. 6.]
 [1. 3. 3. 1. 4.]
 [1. 4. 6. 4. 1.]]
Décomposition LU de P :
L=
[[1. 0. 0. 0. 0.]
 [1. 1. 0. 0. 0.]
 [1. 2. 1. 0. 0.]
 [1. 3. 3. 1. 0.]
 [1. 4. 6. 4. 1.]]
U=
[[1. 1. 1. 1. 1.]
 [0. 1. 2. 3. 4.]
 [0. 0. 1. 3. 6.]
 [0. 0. 0. 1. 4.]
 [0. 0. 0. 0. 1.]]
```

$\|P-LU\| = 0.0$

## 4 Exercice 3 - Comparaison des méthodes de Jacobi, Gauss-Seidel et de relaxation

### 4.1 Question a)

On commence par la construction de la matrice  $M$  pour la méthode de Jacobi

```
[8]: def MJ(A):  
    M = np.diag(np.diag(A))    #on extrait de A sa diagonale et on forme une  
    ↪matrice diagonale avec  
    return M
```

Pour la méthode de Jacobi, les paramètres sont : la matrice  $A$ , le vecteur  $b$  et la condition initiale  $x_0$ .

Il y a deux critères d'arrêt : la précision  $\epsilon$  voulue sur  $\|Ax_0 - b\|$ , et le nombre d'itérations maximum  $it_{max}$ .

```
[9]: def Jacobi(A,b,x0,eps,itmax):  
    x = x0    #on initialise avec x0  
    M = MJ(A)  
    N = M - A    #puisque N = E+F, -E et -F étant les parties sous- et  
    ↪sur-diagonales de A  
    err = np.linalg.norm(A.dot(x) - b) # l'erreur initiale est  $\|Ax_0 - b\|$   
    it = 0  
    while (err > eps and it < itmax): #on continue d'itérer tant qu'on n'a pas  
    ↪atteint la précision eps souhaitée ou dépassé le nombre d'itérations  
        x = Lower(M,N.dot(x) + b) #on actualise x en trouvant la solution y de  
    ↪My = Nx + b avec l'Exercice 1  
        err = np.linalg.norm(A.dot(x) - b)    #on actualise l'erreur  
        it = it + 1    #on actualise le paramètre d'itération  
    return [x,it]    #on renvoie la solution approchée et le nombre d'itérations  
    ↪nécessaires
```

On fait pareil pour la méthode de Gauss-Seidel :

```
[10]: def MGS(A):  
    M = np.diag(np.diag(A))  
    for i in range (1,len(A)):    #on calcule M comme la somme des matrices  
    ↪sous-diagonales  
        M = M + np.diag(np.diag(A,-i),-i)  
    return M
```

```
[11]: def GaussSeidel(A,b,x0,eps,itmax):  
    x = x0  
    M = MGS(A)
```

```

N = M - A
err = np.linalg.norm(A.dot(x)-b)
it = 0
while err > eps and it < itmax:
    x = Lower(M,N.dot(x)+b) #on utilise encore la méthode de descente car M
    ↪ est triangulaire inférieure
    err = np.linalg.norm(A.dot(x)-b)
    it = it + 1
return [x,it]

```

On fait pareil pour la méthode de relaxation. Il y a un paramètre supplémentaire.

```

[12]: def MR(A,om):
    M = np.diag(np.diag(A)) / om
    for i in range(1,len(A)):
        M = M + np.diag(np.diag(A,-i),-i)
    return M

```

```

[13]: def Relaxation(A,b,x0,om,eps,itmax): #on a un paramètre omega supplémentaire
    x = x0
    M = MR(A,om)
    N = M - A
    err = np.linalg.norm(A.dot(x) - b)
    it = 0
    while err > eps and it < itmax:
        x = Lower(M,N.dot(x) + b)
        err = np.linalg.norm(A.dot(x) - b)
        it = it + 1
    return [x,it]

```

## 4.2 Question b)

On commence par construire la matrice  $A$  et le vecteur  $B$ .

```

[14]: def Alaplace(n):
    A = 2 * np.diag(np.ones(n)) - np.diag(np.ones(n-1),-1) - np.diag(np.
    ↪ ones(n-1),1)
    return A

def Btest(n):
    B = np.zeros(n)
    B[0] = 1
    B[n-1] = 1
    return B

```

```

[15]: #Paramètres
n = 10

```

```

itmax = 100
om = 1.5
eps = 0 #ici on utilise seulement le second critère d'arrêt
x0 = np.zeros(n)
A = Alaplace(n)
B = Btest(n)

```

```

[16]: #calcul des solutions approchées
[xJ,itJ] = Jacobi(A,B,x0,eps,itmax)
print('erreur Jacobi = ',np.linalg.norm(A.dot(xJ) - B), ", nombre d'itérations_
↳=",itJ)
[xGS,itGS] = GaussSeidel(A,B,x0,eps,itmax)
print('erreur Gauss-Seidel = ',np.linalg.norm(A.dot(xGS) - B), ", nombre_
↳d'itérations =",itGS)
[xR,itR] = Relaxation(A,B,x0,om,eps,itmax)
print('erreur Relaxation = ',np.linalg.norm(A.dot(xR) - B),", nombre_
↳d'itérations =",itR)

```

```

erreur Jacobi = 0.0038447274751198255 , nombre d'itérations = 100
erreur Gauss-Seidel = 6.773832578676818e-05 , nombre d'itérations = 100
erreur Relaxation = 1.3287936532864002e-14 , nombre d'itérations = 100

```

### 4.3 Question c)

On commence par définir le rayon spectral :

```

[17]: def rho(A):
        return np.linalg.norm(np.linalg.eigvals(A), inf) # norme infinie du vecteur_
↳contenant toutes les valeurs propres

```

```

[18]: #Paramètres
n = 20
itmax = 100
eps = 0
x0 = np.zeros(n)
#construction de la matrice A et du vecteur B
A = Alaplace(n)
B = Btest(n)

```

```

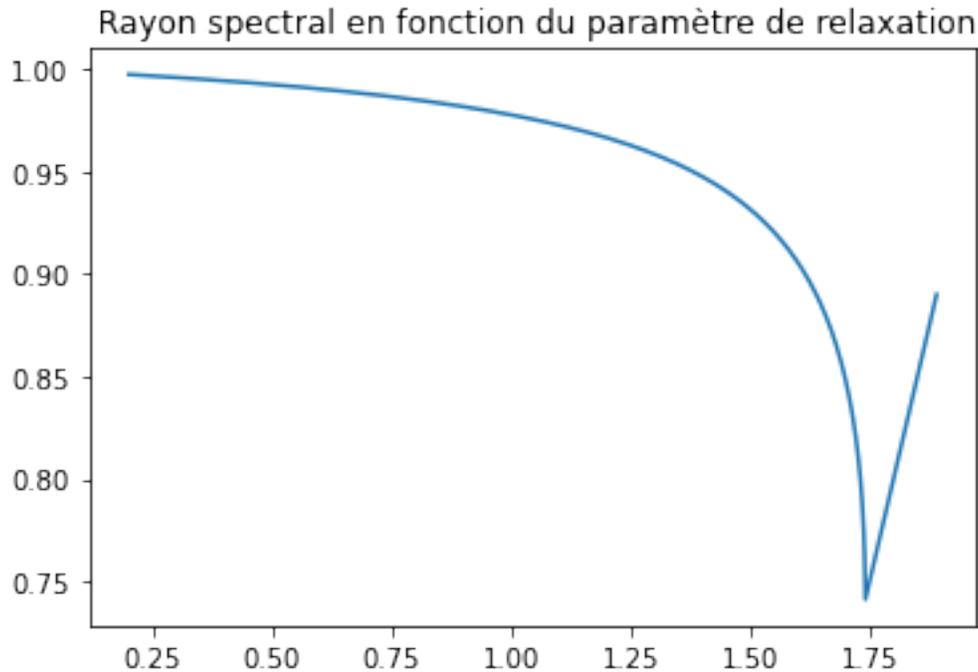
[19]: #Vecteur pour les valeurs de omega et rho
om = np.linspace(0.2,1.89,1000)
#Calcul du rayon spectral de la matrice d'itérations
R = np.zeros(len(om))
for k in range (len(om)):
    M = MR(A,om[k])
    N = M - A
    R[k] = rho(np.linalg.inv(M).dot(N))

```

```

#Représentation graphique
plt. plot (om, R)
plt.title (" Rayon spectral en fonction du paramètre de relaxation")
plt.show()

```



#### 4.4 Question d)

```

[20]: #Paramètres
itmax = 10**(4)
eps = 10**(-12)
n = 10
om = np.linspace(0.15,1.9,100)
Iter = np.zeros(len(om))
R = np.zeros(len(om))
A = Alaplace(n)
B = Btest(n)
x0 = np.zeros(n)

```

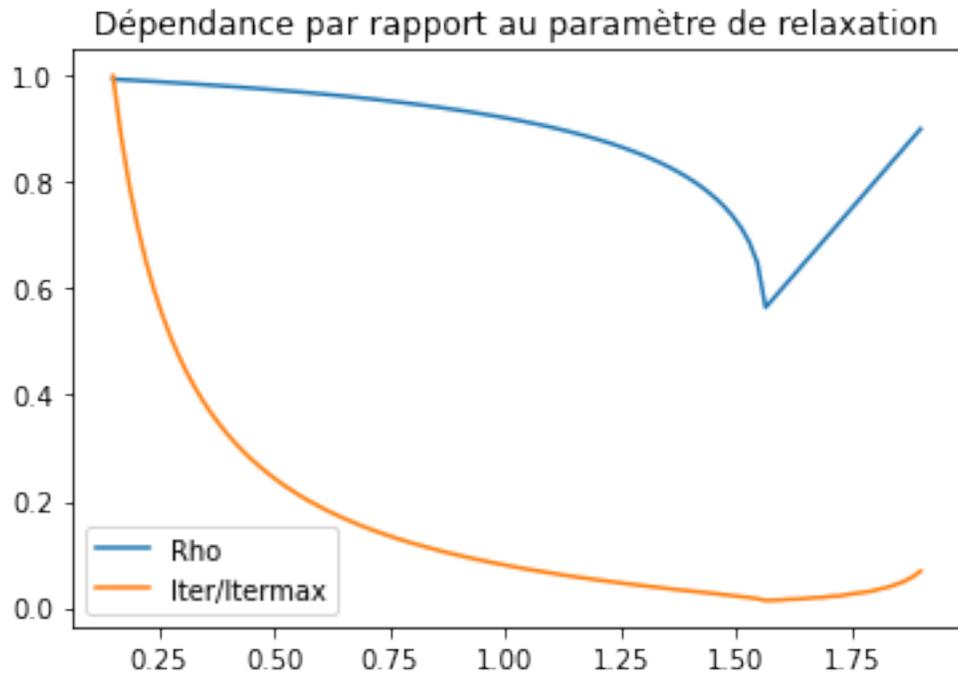
```

[21]: #calcul des solutions avec la méthode de Jacobi
for k in range (len(om)):
    [xR,itR] = Relaxation(A,B,x0,om[k],eps,itmax)
    Iter[k] = itR
    M = MR(A,om[k])
    N = M - A

```

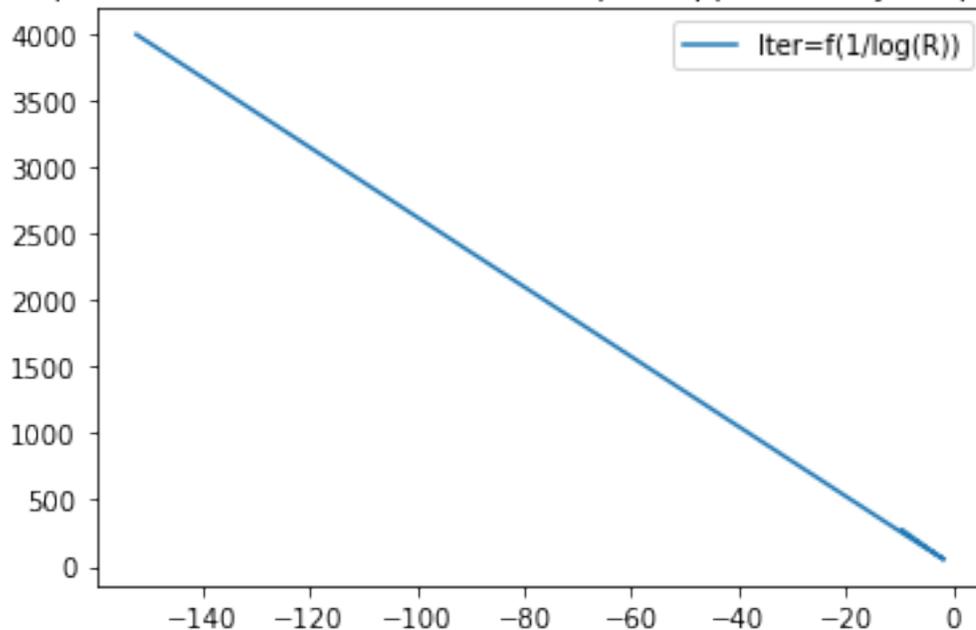
```
R[k] = rho(np.linalg.inv(M).dot(N))
```

```
[22]: #Évolution du rayon spectral et du nombre d'itérations
plt.plot(om,R,label = "Rho")
plt.plot(om,Iter/max(Iter),label = "Iter/Itermax")
plt.legend(loc = 'best')
plt.title("Dépendance par rapport au paramètre de relaxation")
plt.show()
```



```
[23]: #Dépendance du nombre d'itérations par rapport au rayon spectral
plt.plot(np.log(R)**(-1), Iter,label = "Iter=f(1/log(R))")
plt.legend(loc = 'best')
plt.title("Dépendance du nombre d'itérations par rapport au rayon spectral")
plt.show()
```

## Dépendance du nombre d'itérations par rapport au rayon spectral



On observe une dépendance linéaire. En effet, on a une estimation d'erreur du type  $\epsilon_k = \|Ax_k - b\| \leq C\rho^k$ , et donc la précision  $\epsilon = 10^{-12}$  voulue est atteinte en  $k \sim \frac{\log \epsilon}{\log \rho}$  itérations.

## 5 Exercice 4 - Résolution d'un problème de Poisson 2d

### 5.1 Question a)

Définition de  $A$  : on représente  $u_{i,j} = U[k]$  pour  $k = 0, \dots, N^2 - 1$  avec  $k = N(i - 1) + (j - 1)$  pour  $1 \leq i, j \leq N$ . Il faut ensuite transposer l'équation aux différences centrées des indices  $(i, j)$  à l'indice  $k$ .

```
[24]: def Alaplace2D(n):  
    A = ((n+1)**2) * (-4*np.diag(np.ones(n**2)) + np.diag(np.ones(n**2-1), 1)  
            + np.diag(np.ones(n**2-1), -1) + np.diag(np.ones(n**2-n), n) +  
            ↪np.diag(np.ones(n**2-n), -n))  
    return A
```

### 5.2 Question b)

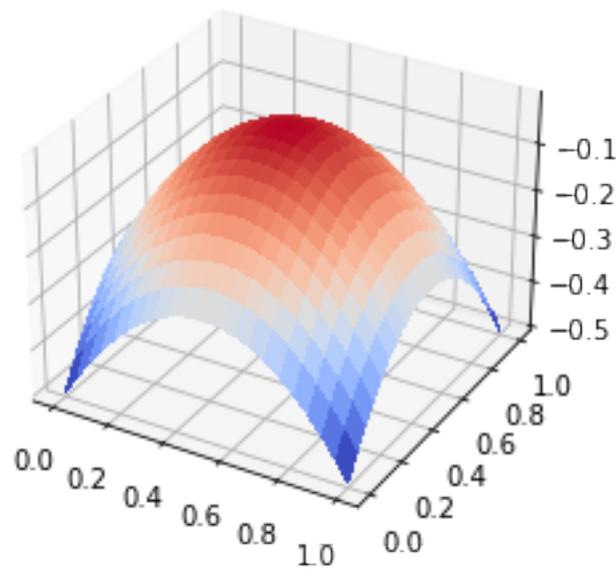
```
[25]: #Paramètres  
n = 20  
X = np.linspace(0,1,n+2)  
Y = X  
#Définition de la fonction f  
def f(x,y):
```

```

    return -(x-0.5)**2 - (y-0.5)**2
#Surface enfendrée par f
fig = plt.figure()
ax = fig.gca(projection = '3d')
X, Y = np.meshgrid(X, Y)
Z = f(X,Y)
surf = ax.plot_surface(X, Y, Z,cmap = cm.coolwarm,linewidth = 0, antialiased =_
    ↪False)
plt.title("La surface f(x,y)=-(x-0.5)**2-(y-0.5)**2")
plt.show()

```

La surface  $f(x,y)=-(x-0.5)**2-(y-0.5)**2$



```

[26]: #Conversion matrice n*n et vecteur n**2
def mat2vec(A): #on convertit une matrice n*n en vecteur de taille n**2
    n = len(A)
    x = np.zeros(n**2)
    for i in range (n):
        x[n*i:n*(i+1)] = A[i,:]
    return x

def vec2mat(x): #on convertit un vecteur de taille n**2 en matrice n*n avec la_
    ↪même convention que pour définir u
    N = len(x)
    n = floor(np.sqrt(N))
    A = np.zeros((n,n))
    for i in range (n):

```

```

    A[i,:] = x[n*i:n*(i+1)]
return A

```

```

[27]: #Résolution de l'équation de Poisson avec Jacobi
x0 = np.zeros(n**2) #donnée initiale
eps = 10**(-2) #précision souhaitée
itmax = 10**(5) #nombre max d'itérations
A = Alaplace2D(n) #on calcule la matrice A pour mettre le problème sous la
    ↪forme AU=F
F = mat2vec(Z[1:n+1,1:n+1]) #on calcule le second membre du système linéaire
[SolJ,itJ] = Jacobi(A,F,x0,eps,itmax) #ici on résoud le système avec la méthode
    ↪de Jacobi
ZsolJ = np.zeros((n+2,n+2))
#pour représenter la solution on convertit le vecteur fourni par la méthode de
    ↪Jacobi en matrice
ZsolJ[1:n+1,1:n+1] = vec2mat(SolJ)
#Représentation graphique
fig = plt.figure()
ax = fig.gca(projection = '3d')
surf = ax.plot_surface(X, Y, ZsolJ,cmap = cm.coolwarm,linewidth = 0,
    ↪antialiased = False)
plt.title("La solution de l'équation de Poisson avec Jacobi")
plt.show()

```

La solution de l'équation de Poisson avec Jacobi

